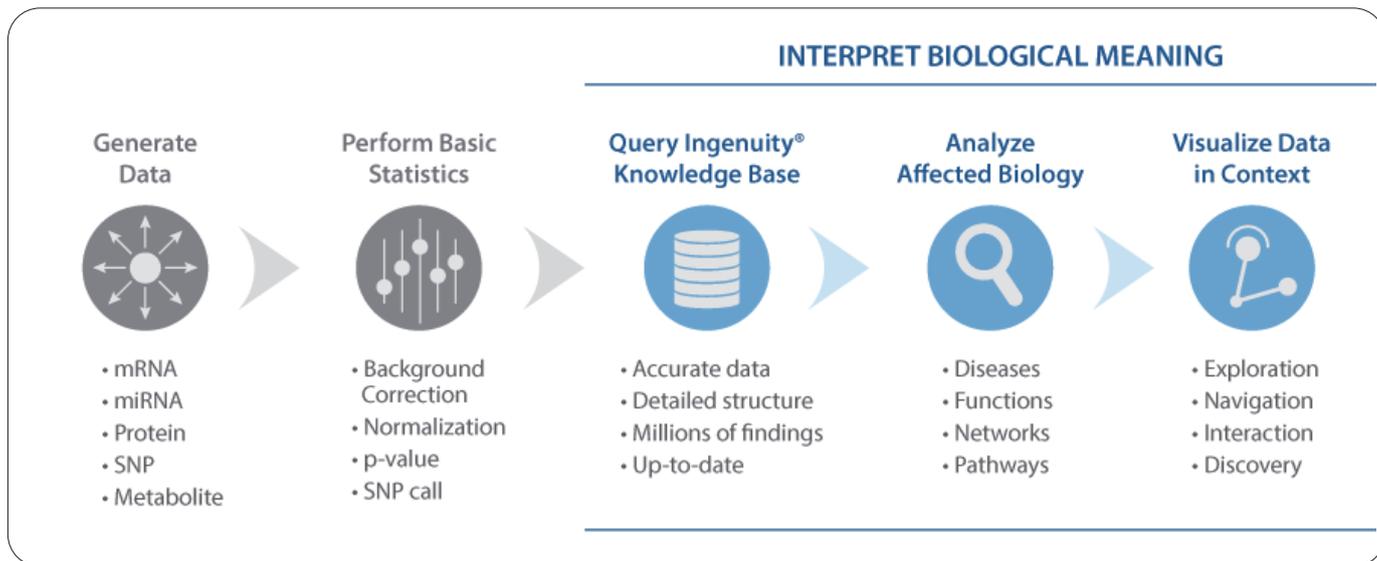
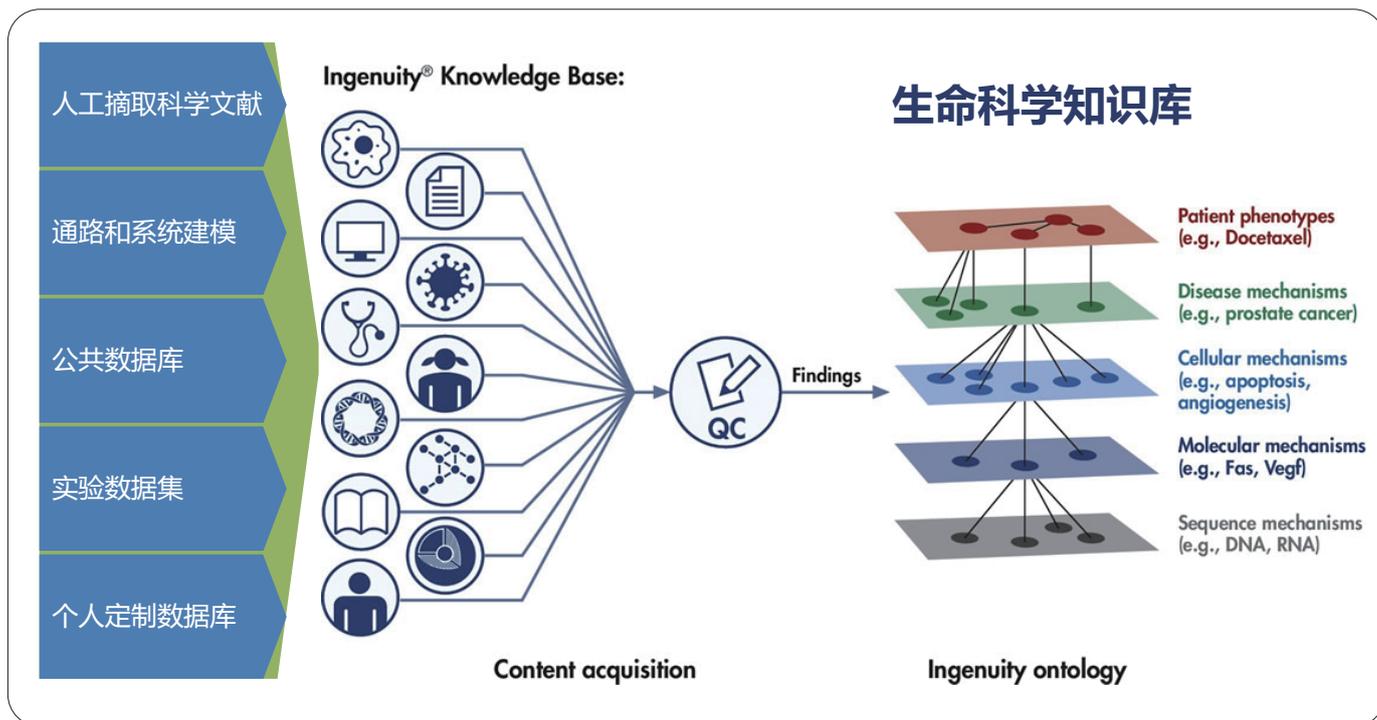


IPA是一款一体化的基于网络的软件应用程序，可实现基因表达、miRNA和SNP微阵列及代谢组学、蛋白质组学和RNAseq实验数据的分析、整合和理解。IPA还可用于小规模实验分析，生成基因和化学物质清单。利用IPA可以搜索有关基因、蛋白质、化学物质和药物以及实验系统相互作用模型构建的目标信息。数据分析和搜索性能有助于理解数据、特定靶点或候选生物标记物在更大的生物学或化学系统中的重要性。该软件以Ingenuity Knowledge Base高度结构化且内容丰富的生物学和化学发现为基础。



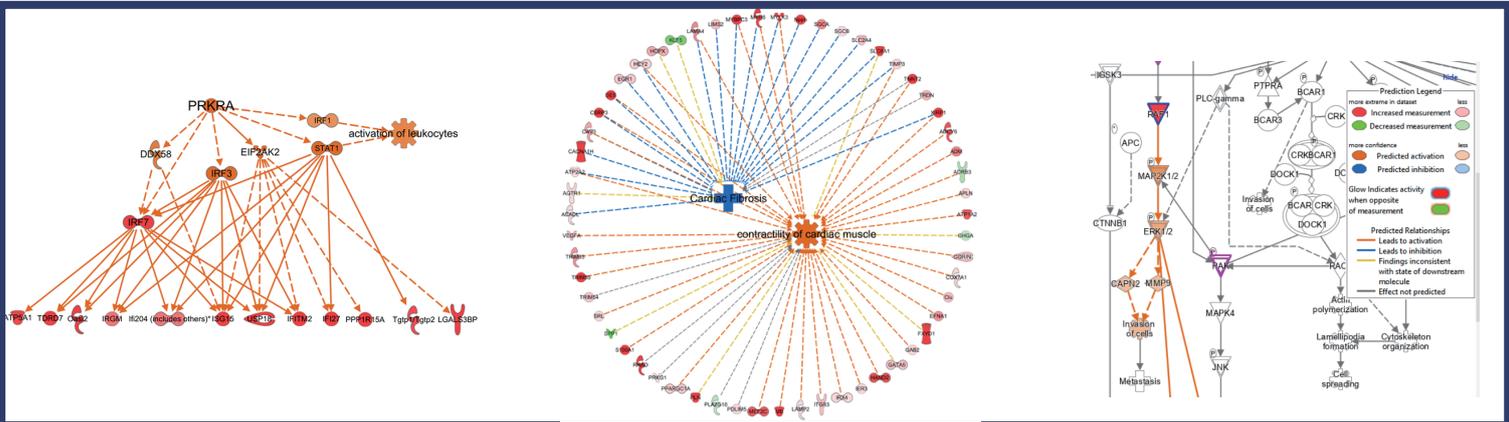
利用IPA建模、分析和理解生命科学核心研究领域复杂的生物和化学体系



- 200+名PhD阅读文献
- 700+种杂志全文阅读
- 3000+种杂志摘要阅读

- 1300万+条知识信息
- 23万+个数据集
- 1000+个可交互的经典通路

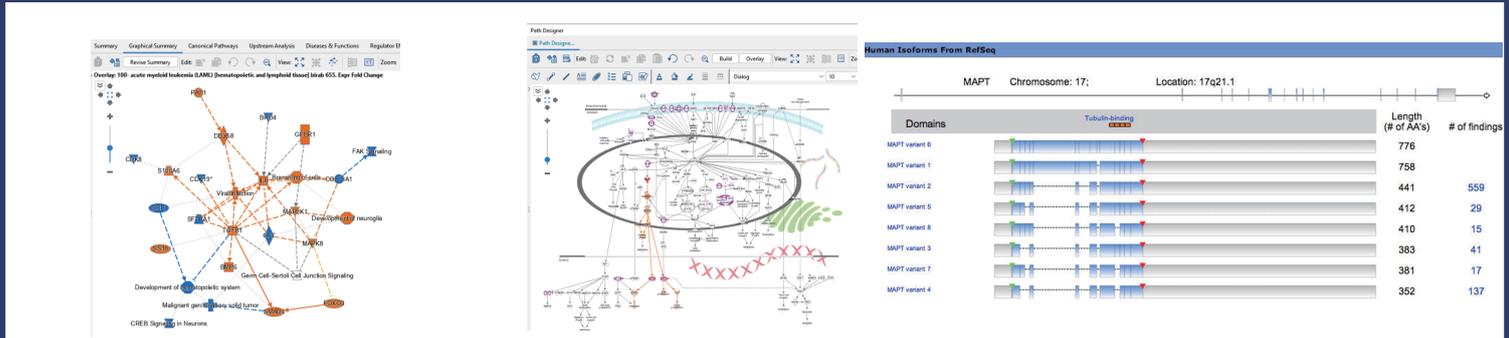
# IPA主要功能



因果网络分析

疾病与功能相关性分析

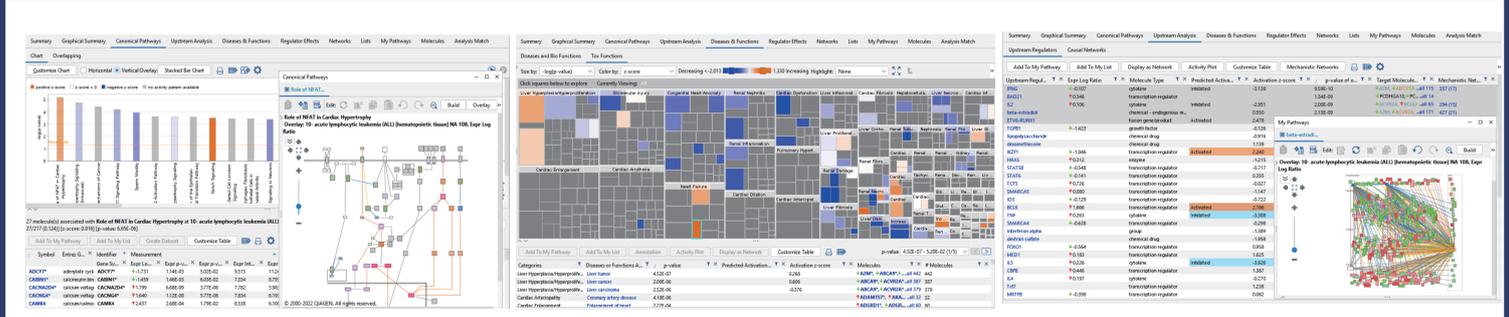
分子活性预测



机制网络生成

通路设计

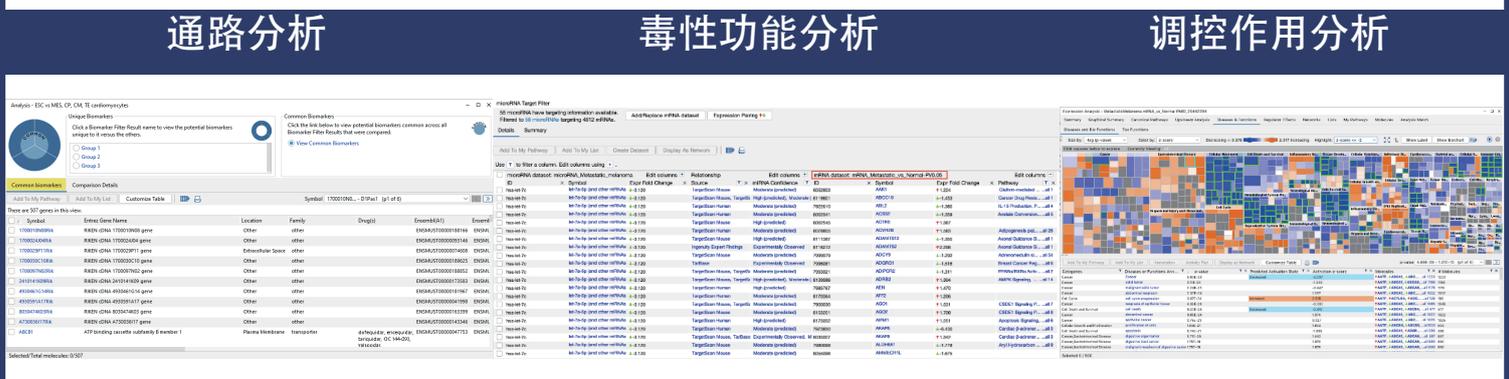
Isoform鉴定



通路分析

毒性功能分析

调控作用分析



生物标记分析

MiRNA靶点分析

下游作用分析



源资信息科技(上海)有限公司

+86-21-32504385

www.tri-ibitech.com

support@tri-ibitech.com

上海总公司

北京分公司

重庆分公司

上海市长宁区天山路18号701

北京市顺义区安泰大街融慧园15-3

重庆市渝中区大坪英利国际壹号楼2719